

检索结果: 30
(来自Web of Science 核心合集)

查看如下的作者记录:
liang y | liang yc

您的检索: 作者: (liang yc or liang y)
AND 地址: (jilin univ, zhuhai) ...更多
内容

创建跟踪

精炼检索结果

在如下结果集内检索...

过滤结果依据:

领域中的高被引论文 (1)

开放获取 (23)

精炼

出版年

2020 (3)

2019 (21)

2018 (6)

更多选项/分类...

精炼

Web of Science 类别

COMPUTER SCIENCE ARTIFICIAL INTELLIGENCE (8)

COMPUTER SCIENCE INFORMATION SYSTEMS (7)

ENGINEERING ELECTRICAL ELECTRONIC (6)

TELECOMMUNICATIONS (6)

MATHEMATICAL COMPUTATIONAL BIOLOGY (4)

更多选项/分类...

精炼

文献类型

ARTICLE (27)

PROCEEDINGS PAPER (4)

CORRECTION (1)

更多选项/分类...

精炼

排序方式: 日期 被引频次 使用次数 相关性 更多

1 / 3

选择页面

导出...

添加到标记结果列表

1. Dimension Reduction and Clustering Models for Single-Cell RNA Sequencing Data: A Comparative Study

作者: Feng, Chao; Liu, Shufen; Zhang, Hao; 等.

INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES 卷: 21 期: 6 文献号: 2181 出版年: MAR 2020

出版商处的免费全文 查看摘要

2. A Novel Prediction Method for ATP-Binding Sites From Protein Primary Sequences Based on Fusion of Deep Convolutional Neural Network and Ensemble Learning

作者: Song, Jiazhi; Liang, Yanchun; Liu, Guixia; 等.

IEEE ACCESS 卷: 8 页: 21485-21495 出版年: 2020

出版商处的免费全文 查看摘要

3. Clustering Single-cell RNA-sequencing Data based on Matching Clusters Structures

作者: Wang, Yizhang; Zhou, You; Pang, Wie; 等.

TEHNICKI VJESNIK-TECHNICAL GAZETTE 卷: 27 期: 1 页: 89-95 出版年: 2020

出版商处的免费全文 查看摘要

4. LncFinder: an integrated platform for long non-coding RNA identification utilizing sequence intrinsic composition, structural information and physicochemical property

作者: Han, Siyu; Liang, Yanchun; Ma, Qin; 等.

BRIEFINGS IN BIOINFORMATICS 卷: 20 期: 6 页: 2009-2027 出版年: NOV 2019

出版商处的免费全文 查看摘要

5. Relation path embedding in knowledge graphs

作者: Lin, Xixun; Liang, Yanchun; Giunchiglia, Fausto; 等.

NEURAL COMPUTING & APPLICATIONS 卷: 31 期: 9 特刊: SI 页: 5629-5639 出版年: SEP 2019

出版商处的免费全文 查看摘要

6. Predicting lncRNA-disease associations using network topological similarity based on deep mining heterogeneous networks

作者: Zhang Hui; Liang Yanchun; Peng Cheng; 等.

分析检索结果

创建引文报告

被引频次: 1
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

被引频次: 0
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

被引频次: 0
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

被引频次: 7
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

被引频次: 3
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

被引频次: 1
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

https://vpn.jluzh.edu.cn/http/77726476706e69737468656265737421f1e7518f69276d52710e82a297422f30a0c6fa320a29ae/Search.do?product=...

1/2

机构扩展

☐ JILIN UNIVERSITY (30)

☐ UNIVERSITY OF ARKANSAS FAYETTEVILLE (6)

☐ UNIVERSITY OF ARKANSAS LITTLE ROCK (6)

☐ UNIVERSITY OF ARKANSAS SYSTEM (6)

☐ UNIVERSITY OF MACAU (5)

更多选项/分类...

精炼

基金资助机构

作者

来源出版物名称

查看全部选项

要获得更多精炼选项，请使用分析检索结果

MATHEMATICAL BIOSCIENCES 卷: 315 文献号: 108229
出版年: SEP 2019

出版商处的全文 查看摘要

7. Image Captioning with Bidirectional Semantic Attention-Based Guiding of Long Short-Term Memory
作者: Cao, Pengfei; Yang, Zhongyi; Sun, Liang; 等.
NEURAL PROCESSING LETTERS 卷: 50 期: 1 页: 103-119 出版年: AUG 2019

出版商处的免费全文 查看摘要

被引频次: 2
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

8. Facial Expression Decoding based on fMRI Brain Signal
作者: Cao, B.; Liang, Y.; Yoshida, S.; 等.
INTERNATIONAL JOURNAL OF COMPUTERS COMMUNICATIONS & CONTROL 卷: 14 期: 4 页: 475-488 出版年: AUG 2019

出版商处的免费全文 查看摘要

被引频次: 0
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

9. Capsule network for protein post-translational modification site prediction
作者: Wang, Duolin; Liang, Yanchun; Xu, Dong
BIOINFORMATICS 卷: 35 期: 14 页: 2386-2394 出版年: JUL 15 2019

出版商处的全文 知识库中的免费已发表文章
查看摘要

被引频次: 10
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

10. Identification and Functional Inference for Tumor-Associated Long Non-Coding RNA
作者: Li, Ying; He, Ye; Han, Siyu; 等.
会议: 7th National Conference on Bioinformatics and System Biology of China (CCBSB) 会议地点: Chengdu, PEOPLES R CHINA 会议日期: OCT 07-09, 2016
IEEE-ACM TRANSACTIONS ON COMPUTATIONAL BIOLOGY AND BIOINFORMATICS 卷: 16 期: 4 页: 1288-1301 出版年: JUL-AUG 2019

出版商处的全文 查看摘要

被引频次: 4
(来自Web of Science 的核心合集)

使用次数

☐ 选择页面

排序方式: 日期 被引频次 使用次数 相关性 更多

1 / 3

显示: 每页 10 条

您选择的数据限制内共有 8,274,468 条记录，其中有 30 条记录与检索式相匹配。
关键词: = 可用的化学结构。